TIPOLOGIA DI PROGETTO

Bando EU4H Project Grants – Call: EU4H-2022-DGA-MS-IBA-1 – Ricerca internazionale

TITOLO DEL PROGETTO DI RICERCA

SeCoV+ – Enhancing Whole Genome Sequencing (WGS), national infrastructures and capacities for COVID-19 and surveillance of other respiratory viruses in Italy

BREVE DESCRIZIONE DEL PROGETTO

Nonostante una riduzione del numero di casi gravi di COVID-19, il SARS-CoV-2 continua a circolare. Esiste la possibilità di una deriva genetica verso varianti prevalenti nuove, con conseguenze incerte sull'epidemiologia e sulla presentazione clinica del COVID-19.

In Italia, la sorveglianza genomica del SARS-CoV-2 viene effettuata attraverso indagini periodiche di prevalenza, sequenziamento continuo in gruppi target specifici e sequenziamento periodico di campioni di acque reflue non trattate. Sebbene siano stati stanziati fondi nazionali specifici per alcune attività di sequenziamento, la sostenibilità delle indagini periodiche di prevalenza è ancora incerta. Inoltre, la completezza, la tempestività e la qualità delle sequenze caricate sulla piattaforma nazionale di sorveglianza genomica Italian COVID-19 Genomic (I-Co-Gen) presentano margini di miglioramento e i report attualmente prodotti non integrano i dati provenienti dai diversi flussi di sorveglianza del SARS-CoV-2 in un'analisi comune.

Il progetto ha l'obiettivo di:

- supportare l'esecuzione sostenibile delle indagini periodiche sul SARS-CoV-2 per stimare la prevalenza delle varianti di preoccupazione (VOC) a livello nazionale e il continuo potenziamento della capacità di sequenziamento genomico per l'influenza e il virus respiratorio sinciziale su un campione di convenienza;
- supportare il consolidamento e la qualità della raccolta centralizzata dei dati genomici e l'istituzione di un'analisi innovativa integrata dei dati genomici ed epidemiologici utilizzando più fonti di dati (includendo anche fonti di dati non finanziate tramite questo progetto) da una prospettiva One Health.

In questa ottica, il progetto contribuirà in modo significativo a rafforzare la preparazione e la risposta laboratoristica, a sviluppare capacità nella sorveglianza genomica tramite un'analisi organizzativa dei processi, sia a livello dei laboratori che di rete, e a innovare l'analisi dei dati attraverso l'integrazione dei settori genomici umani, epidemiologici e ambientali, utilizzando anche modelli statistici e matematici.

COMPOSIZIONE DEL GRUPPO DI RICERCA

Riccardo Flavia, Rosso Chiara, Stefanelli Paola, Ambrosio Luigina, Caratelli Alessia – Istituto Superiore di Sanità.

Francesco Bolici, Alberto Varone e Gabriele Diana – Università degli Studi di Cassino e del Lazio Meridionale.

RISULTATI/PUBBLICAZIONI

Bolici, F., Varone, A. & Diana G. (2025). Report di Progetto: Sustainability Assessment Protocol (MS13).